

Enterotoksyczność *Staphylococcus aureus* izolowanych od zwierząt i ludzi

Sylwia Andrzejczak-Grządko¹, Michalina Gniewosz², Roksana Zadworna², Joanna Lindecka²

¹ Katedra Biotechnologii, Instytut Nauk Biologicznych, Uniwersytet Zielonogórski

² Wydział Nauk Biologicznych, Uniwersytet Zielonogórski

Enterotoksyny termostabilne są jednymi z najbardziej znaczących czynników wirulencji związanych ze *Staphylococcus aureus*. Enterotoksyny gronkowcowe (SE) powodują zespół przypominający wstrząs toksyczny i są powiązane z zatruciami pokarmowymi. Szczepy *S. aureus*, wyizolowane od chorych zwierząt (drób) oraz ze zmian skórnych ludzi, przeanalizowano pod kątem obecności genów enterotoksyn. W reakcji Multiplex-PCR wykorzystano 5 par starterów specyficznych dla genów *sea*, *seb*, *sec*, *sed* i *see*.

Wśród 45 izolatów skórnych pochodzących od ludzi, geny potwierdzające potencjał enterotoksynogeny wykryto u 22 szczepów (~49%). Najczęściej stwierdzano gen kodujący toksynę typu C (~55%), następnie D (~27%) oraz A (~9%) i B (~9%). Nie stwierdzono genu kodującego toksynę SEE. Wśród 58 szczepów drobiowych wykryto trzy geny kodujące SE tj. toksynę C (~10%), toksynę A (~5%) oraz toksynę D (~2%). Żaden z izolatów nie posiadał genów *seb* lub *see*. W sumie 21% szczepów izolowanych od drobiu posiadało jeden z pięciu genów SE.

Geny enterotoksyn gronkowcowych potwierdzono zarówno w genomie szczepów *S. aureus* pochodzenia ludzkiego, jak i zwierzęcego, przy czym u izolatów skórnych geny kodujące SE były stwierdzane ponad dwukrotnie częściej. Zarówno wśród izolatów zwierzęcych, jak i tych pochodzących od ludzi, dominował gen toksyny C.